

ПРИЛОЖЕНИЯ

к статье И.В. Тоцкого, И.В. Розановой, А.Д. Сафоновой, А.С. Батова, Ю.А. Гуреевой, А.В. Кочетова, Е.К. Хлесткиной
«Геномные районы *Solanum tuberosum* L., ассоциированные с глубиной залегания глазков клубней»

Приложение 1

Праймеры для используемых KASP-маркеров

№	Маркер	Хромосома	Физическое положение на хромосоме (п. н.)	Праймер для аллеля X	Праймер для аллеля Y	Общий праймер
1	PotVar0111687	10	48721966	ATATAGTTGCAACTTTGCATTCTAGA	CTATATAGTTGCAACTTTGCATTCTAGG	ACCTACATACCTTCTCCTGATGAGAATTT
2	solcap_snp_c2_25485	10	48737840	–	–	–
3	solcap_snp_c1_8019	10	48863165	ATCAAATTTGTGTGTCAGGCTTCGGCA	CAAATTTGTGTGTCAGGCTTCGGCG	GTATCCGTTATATGAATCCAGTTTGGCAT
4	solcap_snp_c2_25471	10	48808404	CAGCAGTCATTGTAAGTCCCATATT	AGCAGTCATTGTAAGTCCCATATC	CCACTGGAAGCAGACCTATGGTAAT
5	solcap_snp_c2_25526	10	48617149	AAATACCTGTTGGTGTGTTGAACAGT	ATACCTGTTGGTGTGTTGAACAGC	TGATAGACAAGAACAAGCCTCTCAACAAA
6	solcap_snp_c2_25522	10	48617457	ACTCGATCACAATAGAGAAATGTCTT	CTCGATCACAATAGAGAAATGTCCC	TGTCAGATAACAACCTGCACAACCTTTCAA
7	solcap_snp_c2_25532	10	48591792	TTCTGAACAAGAATATCAGTACCTTC	CTTTCTGAACAAGAATATCAGTACCTTG	AGTCACGAAATTTTCCCTTTCCAGTCTT
8	solcap_snp_c1_8021	10	48862950	GAGAAGTGGGAAGCTGTTTCACCAAT	AGAAGTGGGAAGCTGTTTCACCAAC	CCAAAGCTTTTGGAACTTCGATCTCAAA
9	solcap_snp_c2_25529	10	48593621	AGAACTACCTGATGGATGGCTCT	GAACCTACCTGATGGATGGCTCG	CCTTCCTATCAAGGTTTCTAACAAGAAA
10	solcap_snp_c1_16351	10	48761642	TGGTGCAGAAGAAGGCTCAA	CTTGGTGCAGAAGAAGGCTCAG	CCGGCAAGCCATTGCTGTCATCAT
11	solcap_snp_c2_55948	10	48982352	AATTGCTAAACTACAAATTCAAAATGCTTTGAA	GCTAAACTACAAATTCAAAATGCTTTGAG	GTGCAATCCATGAAGTTACCAGTGTAAT
12	solcap_snp_c2_25528	10	48616808	CATTGTTGTGACTTGTGGATCTGCA	GTTGTGACTTGTGGATCTGCG	CCTCATCATGCTTCACAACCTCGTTAATT
13	solcap_snp_c2_25527	10	48616993	CATAGATAACACCTGTTCTAATTCTCGA	ATAGATAACACCTGTTCTAATTCTCGG	CCAGGATTATGCTTATCGTGCATTTGATA
14	solcap_snp_c2_25469	10	48808653	GCCTGTTGTTTTCTGGATGCATCA	CCTGTTGTTTTCTGGATGCATCG	GTCTTGATAATGATGAGAATATCCACAAA
15	solcap_snp_c2_45611	10	48203431	GCATAACTTGTCAATGATGGATTGGT	CATAACTTGTCAATGATGGATTGGC	CCCAGGAAAAGTTGTCCATGCCTTA

Приложение 2

Гены и их продукты (согласно Plant.Esemble.com), сцепленные с SNP, обнаруженными в этом исследовании

Ген	SNP-маркер	Позиция	Белок
Локус 1 на хромосоме 4			
PGSC0003DMG400025309	PotVar0106879 ^{@20} (A/G)	04:3916249	Гомосеринкиназа
Локус 2 на хромосоме 5			
PGSC0003DMG400018432	solcap_snp_c2_23017 ^{@23} (A/G)	05:4670373	Миндальная лиаза
Локус 3 на хромосоме 10			
PGSC0003DMG400010819	PotVar0107893 ^{@24} (T/C)	10:4870467	3-кетоацил-КоА-синтаза 10
Локус 4 на хромосоме 10			
PGSC0003DMG400016820	solcap_snp_c1_13531 ^{@17} (A/G)	10:48149384	Кальций-зависимая протеинкиназа 4
Межгенный	solcap_snp_c2_45612 ^{@22} (T/C)	10:48203384	–
Межгенный	solcap_snp_c2_45611 ^{*15} (A/G)	10:48203431	–
PGSC0003DMG400042342	solcap_snp_c2_45606 ^{@18} (A/G)	10:48218826	Гликозилтрансфераза, семейство 8
PGSC0003DMG400027692	solcap_snp_c2_49532 ^{@21} (A/C)	10:48443334	Кальций-связывающий белок CAST (функция неизвестна)
PGSC0003DMG400027696	solcap_snp_c2_25532 ^{*7} (C/G)	10:48591792	Ауксинводородный симпортер
	solcap_snp_c2_25530 ^{@16} (T/C)	10:48593576	
	solcap_snp_c2_25529 ^{*9} (T/G)	10:48593621	
PGSC0003DMG400027699	solcap_snp_c2_25528 ^{*12} (T/C)	10:48616808	Консервативный ген неизвестной функции
	solcap_snp_c2_25527 ^{*13} (A/G)	10:48616993	
	solcap_snp_c2_25526 ^{*5} (A/G)	10:48617149	
	solcap_snp_c2_25523 ^{@19} (T/A)	10:48617343	
	solcap_snp_c2_25522 ^{*6} (T/C)	10:48617457	
Межгенный	PotVar0111687 ^{*1} (T/C)	10:48721966	–
PGSC0003DMG400031230	solcap_snp_c2_25485 ^{*2} (A/G)	10:48737840	Рибосомальный протеин S6 киназа
Межгенный	solcap_snp_c1_16351 ^{*10} (T/C)	10:48761642	–
PGSC0003DMG400031223	solcap_snp_c2_25471 ^{*4} (A/G)	10:48808404	Белок семейства трансмембранных рецепторов Lung seven (ретроградный транспорт в мембранах системы Гольджи)
	solcap_snp_c2_25469 ^{*14} (A/G)	10:48808653	
Межгенный	solcap_snp_c1_8021 ^{*8} (A/G)	10:48862950	–
Межгенный	solcap_snp_c1_8019 ^{*3} (A/G)	10:48863165	–
PGSC0003DMG400006678	solcap_snp_c2_55948 ^{*11} (A/G)	10:48982352	Аспаратаминотрансфераза

* SNP, значимые при использовании множественной тестовой коррекции Бонферрони;

@ SNP, значимые при использовании FDR;

¹ цифровое обозначение распределения маркеров по значимости (1 – самый значимый, 24 – наименее значимый).